



Applicants: Christopher C. Fraser (as amended)  
Serial No.: 09/766,511 Filed: January 19, 2001  
Title: Nucleic acids encoding Tango 405 and functional fragments and  
uses thereof (as amended)  
Atty/Agent: Mario Cloutier  
Attorney Docket No.: MPI00-537OMNIRCEM

## Replacement Figure Sheet 1 of 39

Hum.	10	20	30	40	50	60	70
	MRRQPAKVAALLGLLLECTEAKKHWCWYFEGLYPTYIICRSYEDCCGSRCCVRALSIQRLWYFWFLMMG						
	: . . . . .						
Mur.	10	20	30	40	50	60	70
	MGRRIGRVAALLGLLVECTEAKKHWCWYFEGLYPTYIICRSYEDCCGSRCCVRALSIQRLWYFWFLMMG						
	: . . . . .						
Hum.	80	90	100	110	120	130	140
	VLFCGAGFFIRRRMYPPPLIEEPAFNVSYTRQPPNPGPGAQQPGPPYYTDPGGPGMNPVGNMAMAFQV						
	: . . . . .						
Mur.	80	90	100	110	120	130	140
	VLFCGAGFFIRRRMYPPPLIEEPTFNVSYTRQPPNPAAPGAQQMGPPYYTDPGGPGMNPVGNMAMAFQV						
	: . . . . .						
Hum.	150	160	170				
	PPNSPQGSVACPPPPPAYCNTPPPPYEQVVKAK						
	: . . . . .						
Mur.	150	160	170				
	QPNSPHGGTTYPPPPSYCNTPPPPYEQVVKDK						
	: . . . . .						

Fig. 1A

Replacement Figure Sheet 2 of 39

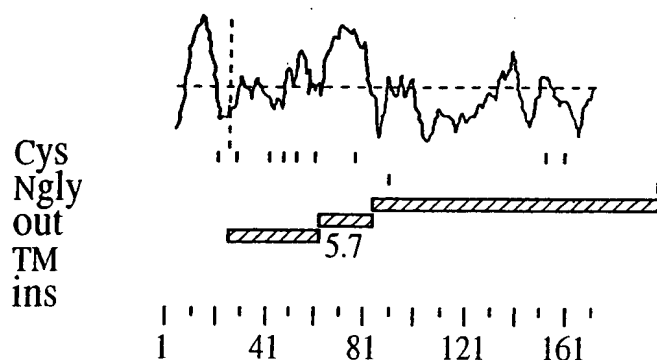


Fig. 1B

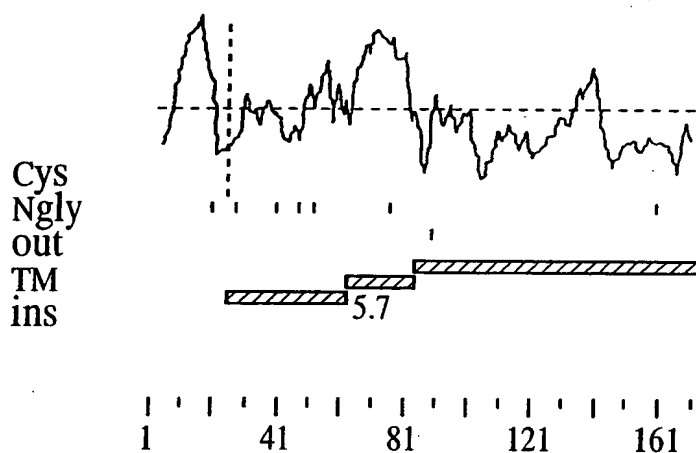


Fig. 1C

# Replacement Figure Sheet 3 of 39

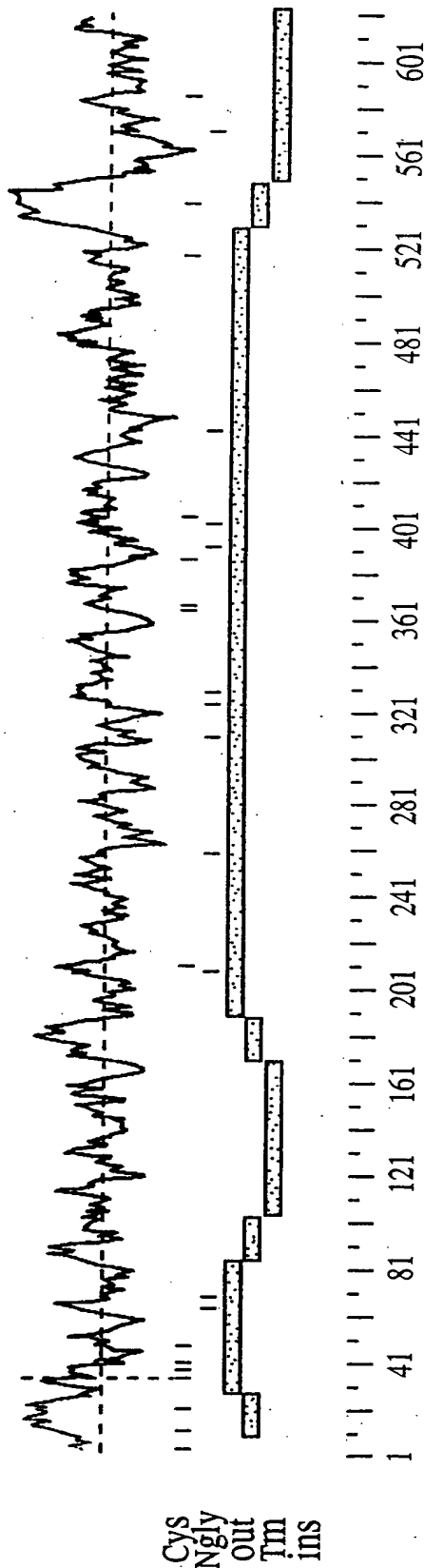


Fig. 2A

**Replacement Figure Sheet 4 of 39**

```

10      20      30      40      50      60
Slit MRGVGWQMLSLGLVLA-----ILNKVAPQACPACS-CSGSTVDCHGLALRSVPRNIPRNTERLDLNG
: : . . : : : : . . . . : : . . . . : : . . . . : : . . . . : : . . . .
325 MCGLOFSLPCRLFLVTCYLLLLHK-EILGCSSVCQLCTGRQINCRNLGLSSIPKNFPESTVFLYLTG
10      20      30      40      50      60

70      80      90      100     110     120     130
Slit NNITRITKTDFAGLRHLRVLQLMENKISTIERGAFQDLKELERLRNLRNHLQLFPPELLFLGTAKLYRLDL
: : . . . . . : : : : : . : : : : . . . . . : : . . . . . : : . . . . . : : . . . . .
325 NNISYINESELTGLHSLVALYLDNSNILYVPKAFVQLR-----HLY--FLFLNNNFIKRLD-
70      80      90      100     110     120

140     150     160     170     180     190     200
Slit SENQIQAIPRKAFRGAVDIKNLQLDYNOISCIEDGAFRALRDLEVLTLNNNITRLSVASFNHMPKLRTF
: : . . . . . : : : : : . : : . . . : : . . . : : . . . : : . . . : : . . . : :
325 -----PGI-----FKGLLNLRLNLYLQYNQVSFVPRGVFNDLVSQYLNLRNRLTVLGSUTF-----
130     140     150     160     170

210     220     230     240     250     260     270
Slit RLHSNNLYCDBLAWLSDWLRQRPVRVGLYTQCMGPSHLRGHNVAEVQKREFVCSGHQSFMAPSCSVLHCP
: : . . . . . : : . . . : : . . . : : . . . : : . . . : : . . . : : . . . : :
325 -----VGM-----VA-----
180

```

**Fig. 2B**

Replacement Figure Sheet 5 of 39

```

280      290      300      310      320      330      340
Slit AACTCSNNIVDCRGKGLTEIPTNLPEITTEIRLEQNTIKVIPPGAFSPYKRLRIDLSNNQISELAPDAF
325 -----
      190
      350      360      370      380      390      400      410
Slit QGLRSLNSLVLYGNKITELPKSLFEGFLSLQLLLNANKINCLRVDAFQDLHNLNLLSLYDNKLQTIAG
      ::      ::
      325 --LR-----ISE-----SGFHLENLACL-----
      200
      420      430      440      450      460      470      480
Slit TFSPLRAIQTMHLAQNPFI CDCHLKWLA DYLHTNPIETSGARCTSPRRLAN KRIGQIKSKKFRCSAKEQY
      ::      ::
      325 -----YLGSN-----
      210
      490      500      510      520      530      540      550
Slit FIPGTEDYRSKLSGDCFADLACPEKCRCEGTTVDCSNQKLNKIPEHIPOYTAELRLNNEFTVLEATGIF
      ::      ::
      325 -----NLTKVP-----SNAFEVLKS-----
      220
```

Fig. 2C

**Replacement Figure Sheet 6 of 39**

**Fig. 2D**

Replacement Figure Sheet 7 of 39

```

840      850      860      870      880      890      900
Slit GNDISVVEGAFNDLSALSHLAIGANPLYCDNCNMQLSDWVKSEYKEPGIARCAGPGEMADKLLLTTPSK
325 -----SSLIHLQANSNPWECNCKLLGLRDWLAS-----
      350      360      370

910      920      930      940      950      960      970
Slit KFTCQGPVDVNILAKCNPCLSNPCKNDGTCNSDPVDFYRCTCPYGFKGQDCDVPIHACISNPFCKHGGTCH
325 -----SAITLNI-----Y-----CQNP-----PSMRG-----
      380      390

980      990      1000      1010      1020      1030      1040
Slit LKEGEDGFWCICADGFEGENCEVNVDDCEDNDCENNSTCVDGINNYTCLCPPEYTGELCEEKLDFFCAQD
325 -----RALRYI-----NITNCV-----
      400

1050      1060      1070      1080      1090      1100      1110
Slit LNPCQHDSKCILTPKGFKCDCTPGYVGEHCDIDFDDCQDNKCKNGAHCTDAVNGYTCICPEGYSGLFCEE
325 -----:....:-----TSSIN-----
      410
```

Fig. 2E

Replacement Figure Sheet 8 of 39

```
1120 1130 1140 1150 1160 1170 1180
Slit SPPMVLPRTPCDNFDCQGAQACIVRINEPICQCLPGYQGEKCEKLVSVNFINKESYLQIPSAKVRPQTN
    .:. .
325 -----VSRAWA-----VVK-----SPHHKTTALMMAWHKV-----
    420 430

1190 1200 1210 1220 1230 1240 1250
Slit ITLQIATDEDSGILLYKGDKDHIAVELYRGRVRASYDTGSHPASAIYSVETINDGNFHVIELLDQSL
    .:. .
325 -----TTNGSP-----LENTETENIT-----FWERIPST-----PAGRFFQENAFGNP-LETTAVLPVQIQLT
    440 450 460 470 480

1260 1270 1280 1290 1300 1310 1320
Slit LSVDDGNPKIITNLSKQSTLNFDSPLYVGGMPGKSNVASLRQAQNGTSFHGCIRNLNLYINSELQDFQKV
    .:. .
325 TSV-----TLNLEKNSALPNDA-----SMGKTSLI-----CT-----QEVEKL
    490 500 510 520

1330 1340 1350 1360 1370 1380 1390
Slit PMQTGILPGCEPCHKKVCAHGTCQPSQAGFTCECQEGWMGPLCDQRTNDPCLGNKCVHGTCLPINAFSY
    .:. .
325 NEAFDILLA-----F-----FIL
    530
```

Fig. 2F



Replacement Figure Sheet 9 of 39

```
1400      1410      1420      1430      1440      1450      1460
Slit  SCKCLEGHGVLCDEEDLFPNCPQAIKCKHGKCRSLGGLQPYCECSSGYTGDSCDREISCRGERIRDYYQ
      ::      ::      ::      ::      ::      ::      ::
325 AC-----VL-----IIFLIYKVVQFKQ---KLKA-----SENS-----RENRL-EYY-
      540      550      560      570

1470      1480      1490      1500      1510      1520
Slit  KQQGYAACQTTK-KVSRLECRGCGCAGGQCCGGLRSKRRKYSFECTDGSSSFVDEVEKVVKCGCTRCVS
      ::      ::      ::      ::      ::      ::
325 ---SF--YQSARYNVTASICNTSPNSLESPPGLEQIRLHK-----QIVPENEAQVI-LFEHSAL
      580      590      600      610      620
```

Fig. 2G

Replacement Figure Sheet 10 of 39

```

10      20      30      40      50      60      70
Slit  CAGAGCAGGTGGAGAGGGCGGTGGGAGCGGTGTCCTGAGTGGGCTCTACTGCCCTGTTCATATATT
325  -----

      80      90      100     110     120     130     140
Slit  TTGTGCACATTTCCCTGGCACTCTGGTTGCTAGCCCCGCCGGCCTCAGACACTGCGCGGT
325  -----

150     160     170     180     190     200     210
Slit  TCCCTCGGAGCAGCAAGCTAAAGAAAGCCCCCAGTGCCGGCGAGGAAGGCGCGGGAAGATGCGC
325  -----

220     230     240     250     260     270     280
Slit  GCGTTGGCTGGCAGATGCTGTCCCTGTCTGCTGGGTTAGTGCTGGCGATCCTGAACAAGGTGCACCGC
325  -----GTCG-----ACC--
      ::::
      ::::
```

Fig. 2H-1

Replacement Figure Sheet 11 of 39

```

290      300      310      320      330      340      350
Slit AGCGTGCCCGGCAGTGCTCTTGCTCGGCAGCACAGTGGACTGTACGGGCTGGCGCTGCGCAGCGT
325 -----CAGG-----CGT
      10

360      370      380      390      400      410      420
Slit GCCCAGGAATATCCCCCGCAACACCGAGAGACTGGATTAAATGGAATAACATCACAGAATTACGAAG
      :.:.:.:.:.:.:
325 --CCGGAAATGTC-----
      20

430      440      450      460      470      480      490
Slit ACAGATTTTGCTGGTCTTAGACATCTAAGAGTTCTTCAGCTTATGGAGAATAAGATTAGCACCATTGAAA
      :.:.:.:.:.:.:
325 -----GTTCTTCAGATTTTAAAAAGAAAA-----CCTTTA-----
      30      40      50

500      510      520      530      540      550      560
Slit GAGGAGCATTCAGGATCTTAAAGAACTAGAGAGACTGCGTTTAAACAGAAATCACCTTCAGCTGTTCC
      :.:.:.:.:.:.:
325 -----CTGAATC-----AGCT-GAGTG-----TTAAT-----AATACG-----AATTTC
      60      70      80
```

Fig. 2H-2

Replacement Figure Sheet 12 of 39

```
570      580      590      600      610      620      630
Slit TGAGTTGCTGTTTCTTGGGACTGCCGAAGCTATACAGGCTTGATCTCAGTGAAAACCAATTCAGGCAATC
:      :      :      :      :      :      :
325 T-----TTTCTTG---C--CAATTCTGATCTGA-----ACAGA-AAATCCAAGAACACAGG-----
90      100      110      120      130

640      650      660      670      680      690      700
Slit CCAAGGAAAGCTTCCGTGGGCAGTTGACATAAAAAATTTGCAACTGGATTACAACCAGATCAGCTGTA
:      :      :      :      :      :      :
325 -----GATATGTG-----TGGATTACA-----GTT
140      150

710      720      730      740      750      760      770
Slit TTGAAGATGGGGCATTTCAGGGCTCTCCGGGACCTGGAAGTGTCTCACTCTCAACAATAACAACATTACTAG
::      :      :      :      :      :      :
325 TT-----CTCT-----GCCT-----TGC-----CTACGA-----
160      170

780      790      800      810      820      830      840
Slit ACTTCTGTGGCAAGTTTCAACCATATGCCCTAAACTTAGGACTTTTCGACTGCATTCAAACAACCTGTAT
:      :      :      :      :      :      :
325 -----CTGTTTCTGGTTGTTACCTGTTA-----TCCTTT-----AT
180      190      200
```

Fig. 2H-3

Replacement Figure Sheet 13 of 39

```

850      860      870      880      890      900      910
Slit  TGTGACTGCCACCTGGCCTGGCTCTCCGACTGGCTTCGCCAAAGGCCTCGGGTTGGTCTGTACACTCAGT
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  TATTACT-CCACAAAG-----AAATAC-----TTGGA-TGTTTCG-TC--T
      210      220      230

920      930      940      950      960      970      980
Slit  GTATGGGCCCCCTCCACCTGAGAGGCCATAATGTAGCCGAGGTTCAAAAACGAGAAATTGTCTGCAGTGG
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  GTTTG-----TC-----AGC-----TCTGCACTGG
      240      250

990      1000     1010     1020     1030     1040     1050
Slit  TCACCAGTCATTTATGGCTCCTTCTTGTAGTGTTTTGCACTGCCCTGCCGCTGTACCTGTAGCAACAAT
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  G-----AGACAAATTA-----ACTGCC-----GTAACCTAGGC-----
      260      270      280

1060     1070     1080     1090     1100     1110     1120
Slit  ATCGTAGACTGTCTGGGAAAGGTCTCACTGAGATCCCAAAATCTCCAGAGACCATCACAGAAATAC
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  -----CTTTCGAG-----TATTC-----CTAAGA-----ATTTCCTGAAA--GT-ACAGTTTTC
      290      300      310      320
```

Fig. 2H-4

Replacement Figure Sheet 14 of 39

```
1130      1140      1150      1160      1170      1180      1190
Slit  GTTTGGAACAGAACACAATCAAAGTCATCCCTCCTGGAGCTTTCTCACCATATAAAAGCTTAGACGAAT
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  ---TGTATCTGA-----CTGGAATAAATATATCTTATATAAATGAAAGT-GAAT
      330      340      350      360      370

1200      1210      1220      1230      1240      1250      1260
Slit  TGACCTGAGCAATAATCAGATCTCTGAACCTGCACCAGATGCTTTCCAAGGACTACGCTCTCTGAATTCA
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  TAAC-----AGGACTTC-----ATTCT
      380

1270      1280      1290      1300      1310      1320      1330
Slit  CTTGTCCCTCTATGGAAATAAAATCACAGAACTCCCCAAAAGTTTATTGAAGGACTGTTTTCCTTACAGC
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  CTTGT-----AGC-----ATTGTATTGGA-----TAATTCTAACA--
      390      400      410      420

1340      1350      1360      1370      1380      1390      1400
Slit  TCCTATTATTGAATGCCAACAAGATAAACTGCCTTCGGGTAGATGCTTTTCAGGATCTCCACAACCTGAA
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
      TTCGTATGTATAT-CCAAA-----GCCTTTG-----TTCAATTGAGG-----CATCTATAT
      430      440      450      460
```

Fig. 2H-5

**Replacement Figure Sheet 15 of 39**

```

1410      1420      1430      1440      1450      1460      1470
Slit CCTTCTCTCCCTATGACAACAAGCTTCAGACCATCGCCAAGGGACCTTTACCTCTTCGGGCATT
      : : : : : : : : : : : : : : : :
325 T-TTCTATTCTAAATAATAA-----TTTCA-----T
      470      480      490

```

```

1480      1490      1500      1510      1520      1530      1540
Slit  CAAACTATGCATTGGCCAGAACCCCTTTATTGTGACTGCCATCTCAAGTGGCTAGCGGATTATCTCC
      :::::  :: :::::  :::::  :::::  :::::  :::::  :::::
325  CAAAC---GC-TTAGATCCTGGA-----ATATTT-----AAGGGACTTT---TAAATCTTC
      500      510      520      530

```

```

1550      1560      1570      1580      1590      1600      1610
Slit  ATACCAACCCGATTGAGACCCAGTGGTGCCCGTTGCACCAAGCCCCCGCCCTGGCAACAACAAAGAATTGG
      ..:
325  GTA-----:..:..:
      540      -----ATTATATTT
                        550

```

	1620	1630	1640	1650	1660	1670	1680
Slit	ACAGATCAAAAGCAAGAAATTCGGTTGTTCAAGCTAAAGAACAGTATTTCATTCAGGTACAGAAGATTAT						
	: : : :	: : : :	: : : :	: : : :	: : : :	:	
325	ACAGT--ATAATCAGGTA--TCCTTTGTTTC--CGAGAGG--AGTATTTAAT-----						
	560	570	580	590			

**Fig. 2H-6**

Replacement Figure Sheet 16 of 39

```

1690      1700      1710      1720      1730      1740      1750
Slit CGATCAAAATTAAGTGGAGACTGCTTTGCGGATCTGGCTTGCCCTGAAAAGTGTGCTGTGAAGGAACCA
      :::::::::::
325 -GATCTAGTTT-----CAGTTCAG-----
      600      610

1760      1770      1780      1790      1800      1810      1820
Slit CAGTAGATTGCTCTAATCAAAAGCTCAACAAAATCCGGAGCACATTTCCCGAGTACACTGCAGAGTTGCCG
      :::::::::::
325 -----TACTTAAATCTA-----CAAA-----GGAA-----TCGCCT-----CACTG-----
      620      630      640

1830      1840      1850      1860      1870      1880      1890
Slit TCTCAATAATAATGAATTTACCGTGTGGAAGCCACAGGAATCTTTAAGAAACTTCCTCAATTACGTAAA
      :::::::::::
325 -----TCC-----TTGGGAG-----TGG-----TACCT-----
      650      660

1900      1910      1920      1930      1940      1950      1960
Slit ATAAACTTTAGCAACAATAAGATCACAGATATTGAGGAGGGAGCATTTTGAAGGAGCATCTGGTGTAATG
      :::::::::::
325 -----TTGTTGGTATGGTTGCT-----CTTCGG-----
      670      680
```

Fig. 2H-7



Replacement Figure Sheet 17 of 39

```

170 1970 1980 1990 2000 2010 2020 2030
Slit AAATACTTCTTACGAGTAATCGTTTGGAAATGTGCAGCATAAGATGTTCAAGGATTTGAAAGCCTCAA
      :::::  :: :::::
325 --ATACTT-----GATTATC-----A
      690

2040 2050 2060 2070 2080 2090 2100
Slit AACTTTGATGTTGAGAAGCAATCGAATAACCTGTGTGGGAATGACAGTTTCATAGGACTCAGTTCTGTG
      ::      :::::  :: :::::
325 AAC-----AATAAC--ATTTGAGGATATCAGAATCAG-----
      700      710      720

2110 2120 2130 2140 2150 2160 2170
Slit CGTTTGCTTTCTTTGTATGATAATCAAAATTACTACAGTTGCACCAGGGCATTGTGATACTCTCCATTCTT
      :::::  :::::
325 -----GCTTTC-----
      730

2180 2190 2200 2210 2220 2230 2240
Slit TATCTACTCTAAACCTCTTTGGCCAAATCCCTTTTAACTGTAACCTGCTACCTGGCTTGGTTGGAGAGTGGCT
      :: :::::  :::::  :::::  :::::
325 -----AACATCTTGA--AAACCTT-----GCTTGTGTTGTAT-----T
      740      750      760
```

Fig. 2H-8

**Replacement Figure Sheet 18 of 39**

```

2250 2260 2270 2280 2290 2300 2310
Slit GAGAAAGAGAGAAATTGTCACGGGAAATCCTAGATGTCAAAAACCATACTTCTTGAAAGAAATACCCATC
      ::::::::::: ::::::::::: ::::::::::: ::::::::::: :::::::::::
325 TAGGAAGTAATAATTTA--ACAAAAGTACC-----ATCAAATGCCTTT-----GAAGTAC-----
      770 780 790 800 810

2320 2330 2340 2350 2360 2370 2380
Slit CAGGATGTGGCCATTTCAGGACTTCACCTTGTGATGACGGAAATGATGACAAATAGTGTCTCCCACTTTCTC
      ::::::::::: ::::::::::: ::::::::::: ::::::::::: :::::::::::
325 -----TTAAAAGTCTT-----AGAAGACTTT-----CTTTGTCTC
      820 830 840

2390 2400 2410 2420 2430 2440 2450
Slit GCTGTCTACTGAATGTACTTGCTTGGATACAGTCGTCCGATGTAGCAACAAGGTTTGAAGTCTTGCC
      ::::::::::: ::::::::::: ::::::::::: ::::::::::: :::::::::::
325 ATAATCCTATTGAA-----GCA--ATACAG-C--CCTTTG---CA-----TTTAAAGGACTTGCC
      850 860 870 880 890

2460 2470 2480 2490 2500 2510 2520
Slit GAAAGGTATTCCAAGAGATGTCACAGAGTTGTATCTGATGGAACCAATTATACACTGGTTCCCAAGGAA
      ::::::::::: ::::::::::: ::::::::::: :::::::::::
325 AA-----TCTGGA--ATACC-----TCC-----
      900

```

**Fig. 2H-9**

Replacement Figure Sheet 19 of 39

```

2530      2540      2550      2560      2570      2580      2590
Slit CTCTCCAACTACAAACATTAAACACTTATAGACTTAAGTAACAACAGATAAGCAGCTTTCTAATCAGA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 ---TCCTGAAAAAATTCAAGAA-----TTAGGA---ATGTTACTA-GGGATGGG-----TTTAGT--GG
      910      920      930      940      950

2600      2610      2620      2630      2640      2650      2660
Slit GCTTCAGCAACATGACCCAGCTCCTCACCTTAATTCTTAGTTACAACCGTCTGAGATGTATTCCTCCTCG
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 AATTAATAATCTTAA-----ACATTGATCTTAA-----GTCA-TAATGA-----
      960      970      980      990

2670      2680      2690      2700      2710      2720      2730
Slit CACCTTTGATGGATTAAAGTCTCTTCGATTACTTTCTCTACATGGAAATGACATTTCTGTGCGCTGAA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 ----TTTAGAGAAATTTAAAT-----TCTGACACATTCAGT--TTGTAAAGA-ATT--TAATTTACCTTAA
      1000     1010     1020     1030     1040     1050

2740      2750      2760      2770      2780      2790      2800
Slit GGTGCTTTCAATGATCTTTCTGCATTATCACATCTAGCAATTGGAGCCAAACCCTCTTTACTGTGATTGTA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 G-----TTAGATAGAA---ACAGAATAAT-----TAGCATT-----GATAATGAT
      1060      1070      1080
```

Fig. 2H-10

**Fig. 2H-11**

**Replacement Figure Sheet 21 of 39**

3090	3100	3110	3120	3130	3140	3150
Slit	TGCCTGCATCAGTAACCCATGTAAACATGGAGGAAC	TGCCACTTAAAGGAAGAGAGATGGATTC				
:	.....	.....	.....	.....	.....	
325	T-----CTTCAGG-----CAAATT-----	CTAATC-CTT-----	GGGAATGTA	ACTGCA	AAAC	
	1200	1210	1220	1230		
3160	3170	3180	3190	3200	3210	3220
Slit	TGGTGATTTGTGCTGATGGATTGAAGGAGAAAA	TGTGAAGTCAACGTTGATGATTGTGAAGATAATG				
:	.....	.....	.....	.....	.....	
325	T-----TTTGGGC-----	CTTCGA-----				
	1240					
3230	3240	3250	3260	3270	3280	3290
Slit	ACTGTGAAAAATAATTCTACATGTGTCGATG	GCATTAATAACTACACATGCCTTTGCCCACCTGAGTATAC				
:	.....	.....	.....	.....	.....	
325	ACTG-----GC-----	TAGCAT-----	CTTCA--GCCATTAC-----			
1250	1260	1270				
3300	3310	3320	3330	3340	3350	3360
Slit	AGGTGAGTTGTGTGAGGAGAGAGCTGGACTT	CTGTGCCCAGGACCTGAACCCCTGCCAGCACGATTCAAAG				
:	.....	.....	.....	.....	.....	
325	-----TCTAAACATCTATT-----	GTCAGAAATCCCC-----				
	1280	1290				

**Fig. 2H-12**

**Fig. 2H-13**

Replacement Figure Sheet 23 of 39

```

3650      3660      3670      3680      3690      3700      3710
Slit AGTGTTCCTGGCTATCAGGGAGAAAAGTGTGAAAATTGGTAGTGTGAATTTATAACAAAGAGTC
    :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325 AGT-----CCT--CT-----GGAAAATACTGAGAC-----TGAGAACATTACTTTCTGGGAA--
1460      1470      1480      1490      1500

3720      3730      3740      3750      3760      3770      3780
Slit TTATCTTCAGATTCCCTTCAGCCAAGGTTTCGGCCTCAGACGAACATAACACTTCAGATTGCCACAGATGAA
    :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325 -----CGAATTCCCTAC-----TTCACCTGCTGGTAGA-TTTTTTCAAGAGAATGCCCTTTGGTAA-
1510      1520      1530      1540      1550

3790      3800      3810      3820      3830      3840      3850
Slit GACAGCGGAATCCTCTGTATAAGGGTGACAAAGACCATAATCGCGGTAGAACTCTATCGGGGGCGTGTTC
    :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325 -----TCCATTA-----GAGACTA-----CA----GCAGTGTTAC-CTGT-----GCAAATAC
1560      1570      1580      1590

3860      3870      3880      3890      3900      3910      3920
Slit GTGCCAGCTATGACACCGGCTCTCATCCAGCTTCTGCCATTACAGTGTGGAGACAAATCAATGATGGAAA
    : :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325 AA-CTTACTA-----CTTCTGTTACCTTGAACCT---TGGAAAAAACACAGTGCT-----
1600      1610      1620      1630
```

Fig. 2H-14

**Replacement Figure Sheet 24 of 39**

3930	3940	3950	3960	3970	3980	3990
Slit	CTTCCACATTGTGGA	CTACTTGCCTTGG	ATCAGAGTCTCTCT	TTGTCCGTGGATG	GTGGGAACCCAAA	
	:::~::~	:::~::~	:::~::~	:::~::~	:::~::~	
325	CTACCG--	AATGATGCTGCTT	-----	CAATGTC-	AGGAA-	-----
	1640	1650		1660		
4000	4010	4020	4030	4040	4050	4060
Slit	ATCATCACTAACTT	GTCAAAGCAGTCC	ACTCTGAATTTTG	ACTCTCCACTCT	ATATGTAGGAGCAT	GCCAG
	:::~::~	:::~::~	:::~::~	:::~::~	:::~::~	
325	AACATCTCTAATT	TGT-----	ACACAAGAAAGT	TGA-----	-----	-----
	1670	1680	1690			
4070	4080	4090	4100	4110	4120	4130
Slit	GGAAGAGTAACGT	GGCATCTCTGCG	CCAGGCCCTGGG	CAGAACGGAACCA	CGCTTCCACGGCT	GATCCG
	:::~::~	:::~::~	:::~::~	:::~::~	:::~::~	
325	-GAAGTTGAATG	AGGCTT-----	TTGACATTTTG-	CTAGCTT-	-----	-----
	1700	1710	1720	1730		
4140	4150	4160	4170	4180	4190	4200
Slit	GAACTTTACATCA	ACAGTGAGCTGC	AGACTTCCAGAAG	GTGCCGATGCA	AACAGGCATTT	TGCCTGGC
	:::~::~	:::~::~	:::~::~	:::~::~	:::~::~	
325	-----	TTTTCATC----	TTAGCTT-----	GTG-----	TTTAAATCATTTT	-----
	1740		1750	1760		

**Fig. 2H-15**



Replacement Figure Sheet 25 of 39

```
4210 4220 4230 4240 4250 4260 4270
Slit TGTGAGCCATGCCACAAGAGGTGTGTGCCCCATGGCACATGCCAGCCAGCAGCCAGGCTTCACCT
: : : : : : : : : : : : : : : :
325 TTTGATC--TAC-----AAAGTTGTT-----CAGTTTA---A
1770 1780 1790

4280 4290 4300 4310 4320 4330 4340
Slit GCGAGTGCCAGGAAGGATGGATGGGGCCCCCTCTGTGACCAACGGACCAATGACCCCTTGCCCTTGGAATAA
: : : : : : : : : : : : : : : :
325 ACAAAACTA--AAG-----CATCAGAAACT-----CAAGGGAATA
1800 1810 1820

4350 4360 4370 4380 4390 4400 4410
Slit ATGCGTACATGGCACCTGCTTGCCCATCAATGCGTTCTCTACAGCTGTAAGTGTGGAGGGCCATGGA
: : : : : : : : : : : : : : : :
325 AGACTTGAATA-CTACAGCTT-----TTATCAGTCAGCAAGGTATA-----ATGTA
1830 1840 1850 1860 1870

4420 4430 4440 4450 4460 4470 4480
Slit GGTGTCCTCTGTGATGAAGAGGAGGATCTGTTTAACCCATGCCAGCGCATCAAGTGCAAGCACGGGAAGT
: : : : : : : : : : : : : : : :
325 ACTG-CCTCAAT-TTG-----TAACACTTCCC-----CAAATTCT--CT-AGAAAGT
1880 1890 1900 1910
```

Fig. 2H-16

## Replacement Figure Sheet 26 of 39

```

4490      4500      4510      4520      4530      4540      4550
Slit GCAGGCTTTCAGGCTGGGGCAGCCCTACTGTGAATGCAGCAGTGGATACACGGGGACAGCTGTGATCG
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 CCTGGCTT-----GGAGCAG-----ATTC-----GACTTCA-TAAACA
      1920      1930      1940

4560      4570      4580      4590      4600      4610      4620
Slit AGAAATCTTGTGAGGGGAAAGGATAAGAGATTATTACCAAAGCAGCAGGGCTATGCTGCTTGCCAA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 AATTGT-TC-----TGAAAATGAG-----GCA-CAGGTC-ATTCTTTTGTG---A
      1950      1960      1970      1980

4630      4640      4650      4660      4670      4680      4690
Slit ACAACCAAGAAGGTGTCCCGATTAGAGTGCAGAGTGGGTGTGCAGGAGGCGAGTGTGGACCGCTGA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 ACATTC-----TGCTTTATAACTC-----
      1990      2000

4700      4710      4720      4730      4740      4750      4760
Slit GGAGCAAGCGGGGAAATACTCTTTCGAATGCACCTGACGGCTCCTCTTTGTGGACGAGGTGAGAAAGT
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 --AACTAA-----ATATTGCTCTATAAGAACT---TCAGTGCCA-----TGGACATGATTTAAA-----
      2010      2020      2030      2040      2050
```

Fig. 2H-17

Replacement Figure Sheet 27 of 39

```

4770      4780      4790      4800      4810      4820      4830
Slit GGTGAAGTGGGCTGTACGAGGTGTGTCTTAACACACTCCCGCAGCTCTGTCTTTGGAAAAGGTTG
325  -----CTG-----AAAC---CTC-----CTT---ATATAATTA
      2060      2070

4840      4850      4860      4870      4880      4890      4900
Slit TATACTTCTTGACCATGTGGGACTAATGAATGCTTCATAGTGGAAATATTTGAAATATATTGTAAATAC
      :::: :::: :::: :::: :::: :::: ::::
325 TATACTT-TAGT---TGGAATATATAATGAATTATATGAGGTAGCATTTAAATATGTTTTTAA-----
      2080      2090      2100      2110      2120      2130

4910      4920      4930      4940      4950
Slit AGAACAGACTTATTTTATTATGAGAAATAAAGACTTTTCTTCTGCATTG
      :::: :::: :::: :::: ::::
325 -----TAAAAAATAAATAAATAAAGGCG-----GCCGC-----
      2140      2150      2160
```

Fig. 2H-18

Replacement Figure Sheet 28 of 39

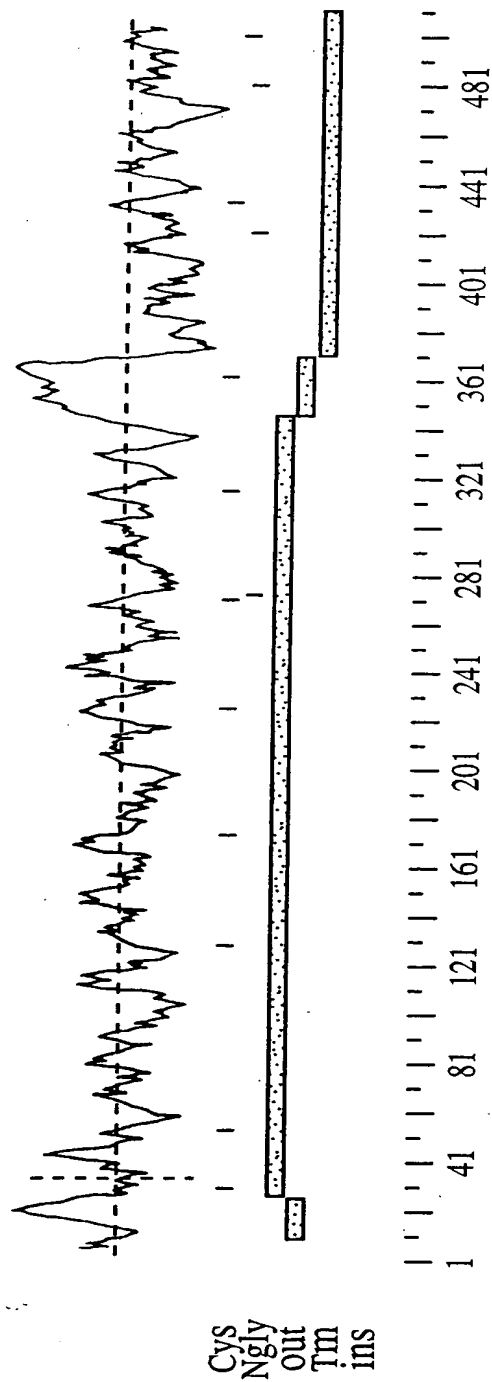


Fig. 3A

**Replacement Figure Sheet 29 of 39**

```

ALT -----
T364 MPLSLGAEMWGPEAWLLLLLLASFTGRCPAGELETSDVVTVLGQDAKLPCFYRGDSGEQVGQVAWARV
      10      20      30      40      50      60      70
ALT -----
T364 DAGEGAQELALLHSKYGLHVS PAYEGRVEQP PPRNPLDGSVLLRNAVQADEGEYECRVSTFPAGSFQAR
      80      90     100     110     120     130     140
ALT -----
      10      20
      -----KGTSSRSFKHSRSAAVTSEFHL
      :::::::::::::::::::
T364 LRLRVLVPPLPSLNPGPAL EEGQLTLAASCTAEGSPAPSVTWDTEVKGTSSRSFKHSRSAAVTSEFHL
      150     160     170     180     190     200     210
      30      40      50      60      70      80      90
ALT VPSRSMNGQPLTCVVSHPGLLQDQRITHILHVSFLAEASVRGLEDNLWHIGREGAMLKCLSEGQPPPSY
      :::::::::::::::::::
T364 VPSRSMNGQPLTCVVSHPGLLQDQRITHILHVSFLAEASVRGLEDNLWHIGREGAMLKCLSEGQPPPSY
      220     230     240     250     260     270     280

```

**Fig. 3B**

Replacement Figure Sheet 30 of 39

```

100      110      120      130      140      150      160
ALT  NWTRLDGPLPSGVRVDGDTLGFPPPLTTEHSGIYVCHVSNEFSSRDSQVTVDLADPQEDSGKQVDLVSAS
      ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
T364  NWTRLDGPLPSGVRVDGDTLGFPPPLTTEHSGIYVCHVSNEFSSRDSQVTVDL- DPQEDSGKQVDLVSAS
      290      300      310      320      330      340

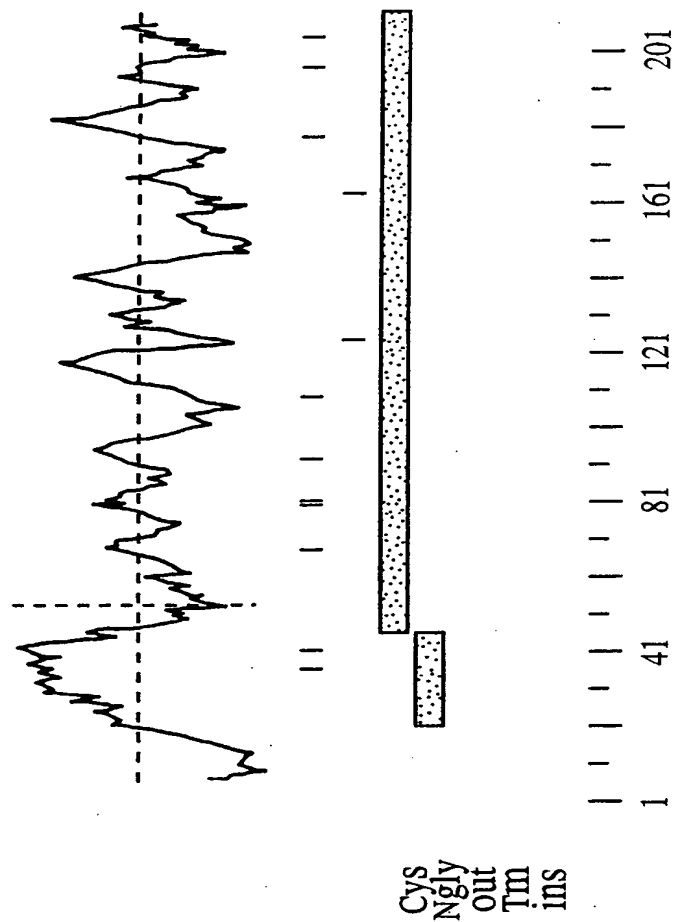
170      180      190      200      210      220
ALT  VVVVGVIALLFCLLVVVVVLMSRYHRRKAQQMTQKYEELTLTRENSIRRLHSHHTDPRSQ-----
      ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
T364  VVVVGVIALLFCLLVVVVVLMSRYHRRKAQQMTQKYEELTLTRENSIRRLHSHHTDPRSQPEESVGLR
      350      360      370      380      390      400      410

230      240      250      260      270
ALT  -----SEEPEGRSYSTLTTVREIETQTTELLSPGSGRAEEEEEDQDEGIKQAMNHFVQEN
      ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
T364  AEGHPDSLKDNSSCSVMSEEPEGRSYSTLTTVREIETQTTELLSPGSGRAEEEEEDQDEGIKQAMNHFVQEN
      420      430      440      450      460      470      480

280      290
ALT  GTLRAKPTNGIYINGRGHLV
      ::::::::::::::::::::::::::::::
T364  GTLRAKPTNGIYINGRGHLV
      490      500      510
```

Fig. 3C

# Replacement Figure Sheet 31 of 39



**Fig. 4A**

Filed: January 19, 2001

Replacement Figure Sheet 32 of 39

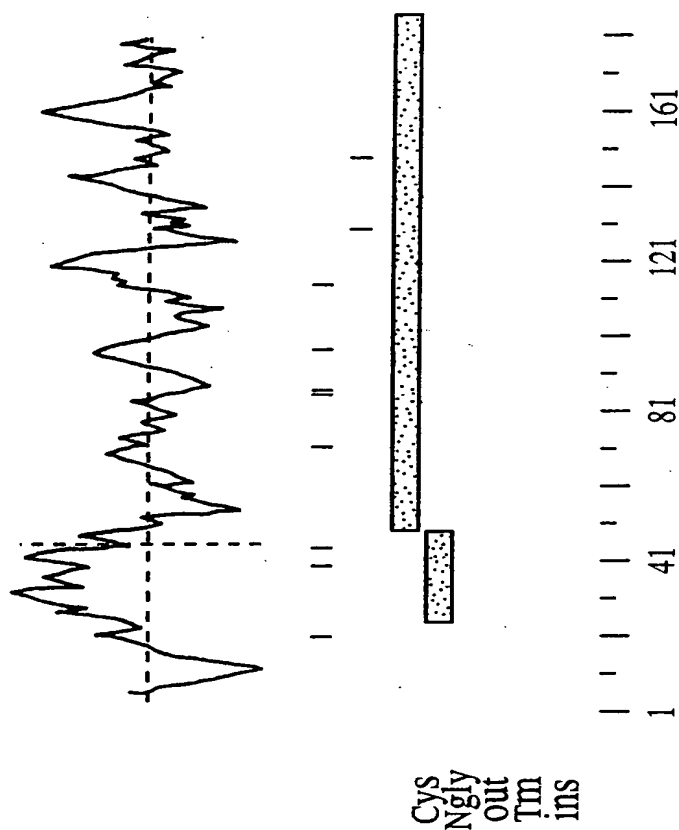


Fig. 4B



Filed: January 19, 2001

# Replacement Figure Sheet 33 of 39

human	MMQEQPQST	10	20	30	40	50	60	70
	TEKRGWLSRL							
	WSVAGISIAL							
	LACFIVSCV							
	VVYHFTYGE							
	TGKRLSELH							
	SYHSSLT							
	CFSEG							
murine	MVQERQSQ	10	20	30	40	50	60	
	KGVC-W-TL							
	RLWSAAVIS							
	MLLSTCFI							
	ASCVVTYQ							
	FIMDQPSR							
	RLYELHTY							
	HSSLT							
	CFSEG							
human	TKVPA--WG	80	90	100	110	120	130	
	CCPASWKSF							
	FGSSCYFIS							
	SEEKVSKE							
	QNCVEMGA							
	HLVVFNT							
	EAEQNFIV							
	QQLNESF							
	SYFL							
murine	TMVSEKM	70	80	90	100	110	120	130
	WGCCPNHW							
	KSFSGSSC							
	YLSTKEN							
	FWSTSEQ							
	NCVQMG							
	AHLVVIN							
	TEAEQNF							
	ITQQLN							
	ESLSYFL							
human	GLSDPQGN	140	150	160	170	180	190	200
	NNNQWIDK							
	TPYEKNV							
	RFWHLG							
	EPNHS							
	AEQAC							
	SIVFWK							
	PTG							
	WGW							
	NDVIC							
	ETRR							
	NSIC							
	EMNKIY							
murine	GLSDPKV	140	150	160	170	180	190	200
	MAN-----							
	NGSMILL							
	SV---K							
	MSGSG							
	-----							
	TPMNP							
	IFQKSG							
	VVF							

Fig. 4C

**Replacement Figure Sheet 34 of 39**[illegible]

**Fig. 4D**

Replacement Figure Sheet 35 of 39

```

280          290          300          310          320          330          340
human  TCATTTCCAGTGAAGAGAAAGTTTGGTCTAAGAGTGAGCAGAACTGTGTTGAGATGGGAGCACATTGGT
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
murine TCATTTCTACCAAGGAGAACTTCTGGAGCACCACTGAGCAGAACTGTGTTTCAGATGGGGGCTCATCTGGT
280          290          300          310          320          330          340

350          360          370          380          390          400          410
human  TGTGTTCAACACAGAGCAGAGCAGAAATTTTCATTGTCCAGCAGCTGAATGAGTCATTTTCTTATTTCTG
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
murine GGTGATCAATACTGAAGCGGAGCAGAAATTTTCATCACCCAGCAGCTGAATGAGTCACATTCTTACTTCCTG
350          360          370          380          390          400          410

420          430          440          450          460          470          480
human  GGGCTTTCAGACCCACAAGGTAATAATAATTGGCAATGGATTGATAAGACACCTTATGAGAAAAATGTCA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
murine GGTCTTTCGGATCC-CAAGGTAATGGCAAATGGCAATGGATCGATGATACTCCTTTTCAGTCAAAATGTCA
420          430          440          450          460          470          480

490          500          510          520          530          540          550
human  GATTTTGGCACCTAGGTGAGCCCAATCATTTCTGCAGAGCAATGTGCTTCAATAGTCTTCTGGAAACCTAC
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
murine GGTCTGGCACCCCATGAACCCAATCTTCCAGAAGAGCGGTGTTTCAA-----
490          500          510          520          530
```

Fig. 4E

Replacement Figure Sheet 36 of 39

560 570 580 590 600 610 620  
human AGGATGGGGCTGGAATGATGTTATCTGTGAACTAGAAGGAATTCAATATGTGAGATGAATAAGATTAC

murine -----

human CTA

murine ---

Fig. 4F

Replacement Figure Sheet 37 of 39

```
mT405 MVQERQSQKGVCWTLRLWSAAVISMLLLSTCFIASCVVTYQFIMDQPSRRLYELHTYHSSLTCFSEGTM 10 20 30 40 50 60 70
      ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
Dectin MVQERQSQKGVCWTLRLWSAAVISMLLLSTCFIASCVVTYQFIMDQPSRRLYELHTYHSSLTCFSEGTM 10 20 30 40 50 60 70

mT405 VSEKMWGCCPNHWKSGSSCYLISTKENFWSTSEQNCVQMG AHLVVINTEAEQNFI TQQLNESLSYFLGL 80 90 100 110 120 130 140
      ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
Dectin VSEKMWGCCPNHWKSGSSCYLISTKENFWSTSEQNCVQMG AHLVVINTEAEQNFI TQQLNESLSYFLGL 80 90 100 110 120 130 140

mT405 SDPKVMAN---GNGSMILLSVKMSGSGTGMNP-----IF-----QKSGVFQ 150 160 170
      :::: .. ... . :::: . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
Dectin SDPQGNKGKWIDDTFQSQNVRFWHPHEPNLPEERCVSIVYWNPSKWGWNDVFCDSKHNSICEMKKIYL 150 160 170 180 190 200
```

Fig. 4G

Replacement Figure Sheet 38 of 39

10	20	30	40	50	60	70
ht405	MMQEQQPQST	ETKRGWLSRL	WSVAGISIAL	LACFIVSCVV	TYHFTYGET	GKRLSELHSH
	SSLT	CFSEG				
	.....	:	.....	.....	.....	.....
Dectin	MVQERQSQG	KGVC-W-TL	RLWSAAVIS	MLLLSTCF	IASCVVTYQ	FIMDQPSRR
	LYELH	TYHSH	SSLT	CFSEG		
10	20	30	40	50	60	70
80	90	100	110	120	130	140
ht405	TKVPA--WG	CCPASWKS	FGSSCYFIS	SEEKVVSK	SEQNCVEM	GAHLVVFN
	TEAEQNF	IVQQ	NESFSYFL			
	.....	.....	.....	.....	.....	.....
Dectin	TMVSEKMW	GCCPNHWK	SFGSSCYL	ISTKENFW	STSEQNCV	QMGAHLVV
	INTEAEQ	NFITQ	QQLNES	LSYFL		
80	90	100	110	120	130	140
150	160	170	180	190	200	
ht405	GLSDPQGN	NNWQWID	KTPYEKNV	RFWHLGEP	NHSAEQCA	SIVFWKPT
	GWGNDV	ICETRR	NSICEM	KIYL		
	.....	.....	.....	.....	.....	.....
Dectin	GLSDPQGN	GKWQWID	TPFSQNV	RFWHPH	EPNLP	EEERC
	VSIVYWN	PSKWG	NDVFC	DSKH	NSICEM	KKIYL
150	160	170	180	190	200	

Fig. 4H

Replacement Figure Sheet 39 of 39

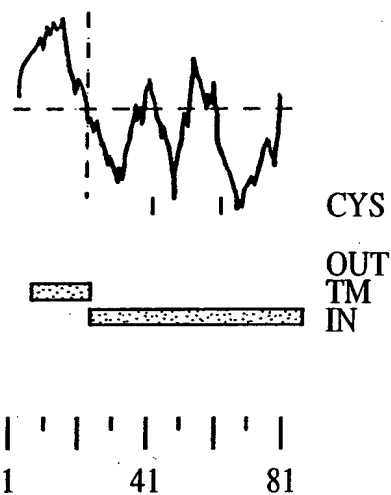


Fig. 5A